

Warszawa, dnia 3 czerwca 2026 r.

Poz. 727

**ROZPORZĄDZENIE
MINISTRA ROLNICTWA I ROZWOJU WSI¹⁾**

z dnia 1 czerwca 2026 r.

**zmieniające rozporządzenie w sprawie stawek dotacji przedmiotowych dla różnych podmiotów
wykonujących zadania na rzecz rolnictwa**

Na podstawie art. 130 ust. 5 ustawy z dnia 27 sierpnia 2009 r. o finansach publicznych (Dz. U. z 2025 r. poz. 1483, 1844 i 1846 oraz z 2026 r. poz. 426, 635 i 680) zarządza się, co następuje:

§ 1. W rozporządzeniu Ministra Rolnictwa i Rozwoju Wsi z dnia 29 lipca 2015 r. w sprawie stawek dotacji przedmiotowych dla różnych podmiotów wykonujących zadania na rzecz rolnictwa (Dz. U. poz. 1170, z późn. zm.²⁾) załącznik nr 8 do rozporządzenia otrzymuje brzmienie określone w załączniku do niniejszego rozporządzenia.

§ 2. Do wniosków o udzielenie dotacji, o których mowa w § 9 ust. 1 rozporządzenia zmienianego w § 1, złożonych i nierozpatrzone przed dniem wejścia w życie niniejszego rozporządzenia stosuje się przepisy rozporządzenia zmienianego w § 1 w brzmieniu nadanym niniejszym rozporządzeniem.

§ 3. W 2026 r. w odniesieniu do zadań określonych w lp. 37–45 w tabeli w załączniku nr 8 do rozporządzenia zmienianego w § 1 w brzmieniu nadanym niniejszym rozporządzeniem:

- 1) wnioski o udzielenie dotacji, o których mowa w § 9 ust. 1 rozporządzenia zmienianego w § 1, składa się w terminie 30 dni od dnia wejścia w życie niniejszego rozporządzenia;
- 2) wypłat, o których mowa w § 9 ust. 7 pkt 1 rozporządzenia zmienianego w § 1, dokonuje się w terminie 90 dni od dnia wejścia w życie niniejszego rozporządzenia.

§ 4. Rozporządzenie wchodzi w życie po upływie 14 dni od dnia ogłoszenia.

Minister Rolnictwa i Rozwoju Wsi: *S. Krajewski*

¹⁾ Minister Rolnictwa i Rozwoju Wsi kieruje działami administracji rządowej – rolnictwo i rozwój wsi, na podstawie § 1 ust. 2 pkt 1 i 2 rozporządzenia Prezesa Rady Ministrów z dnia 25 lipca 2025 r. w sprawie szczegółowego zakresu działania Ministra Rolnictwa i Rozwoju Wsi (Dz. U. poz. 1000).

²⁾ Zmiany wymienionego rozporządzenia zostały ogłoszone w Dz. U. z 2016 r. poz. 1614, z 2017 r. poz. 1470, z 2019 r. poz. 901 i 1522, z 2020 r. poz. 2016, z 2021 r. poz. 1134, z 2022 r. poz. 253, 957 i 1874, z 2023 r. poz. 1562, z 2024 r. poz. 860 oraz z 2025 r. poz. 663.

Załącznik do rozporządzenia Ministra Rolnictwa i Rozwoju Wsi
z dnia 1 czerwca 2026 r. (Dz. U. poz. 727)

STAWKI DOTACJI NA POKRYCIE KOSZTÓW BADAŃ PODSTAWOWYCH
NA RZECZ POSTĘPU BIOLOGICZNEGO W PRODUKCJI ROŚLINNEJ

Lp.	Nr zadania	Zadanie	Stawka (w złotych)
1	2	3	4
1	2	Septorioza paskowana liści pszenicy (<i>Zymoseptoria tritici</i>): struktura populacji grzyba, identyfikacja <i>loci</i> odporności w pszenicy oraz wprowadzenie efektywnych genów odporności do materiałów hodowlanych	285 600
2	3	Określenie fizjologicznych i biochemicznych wskaźników tolerancji pszenicy ozimej (<i>Triticum aestivum</i> L.) na stres suszy i wysokiej temperatury	114 000
3	4	Identyfikacja czynników warunkujących indukcję embriogenezy mikrospor u pszenicy zwyczajnej (<i>Triticum aestivum</i> L.)	235 200
4	5	Analiza molekularna genów warunkujących odporność poziomą u pszenicy (<i>Triticum aestivum</i> L.) na porażenie przez grzyby patogeniczne z rodzaju <i>Puccinia</i> sp.	399 900
5	6	Molekularne aspekty procesu embriogenezy w kulturze izolowanych mikrospor pszenicy (<i>Triticum aestivum</i>)	141 000
6	7	Rdza żółta (<i>Puccinia striiformis</i> f. sp. <i>tritici</i>): struktura populacji grzyba, identyfikacja <i>loci</i> odporności w pszenicy zwyczajnej, pszenicy durum i pszenżycie oraz wprowadzenie efektywnych genów odporności do materiałów hodowlanych	327 800
7	10	Genetyczne podłoże efektu heterozji oraz przywracania męskiej płodności u mieszańców żyta z cytoplazmą Pampa	224 000
8	12	Określenie fizjologicznych i genetycznych podstaw odporności pszenicy i jęczmienia na rozhartowywanie	251 700
9	13	Ukierunkowana mutageneza genów podatności na infekcje wirusowe i uzyskanie roślin jęczmienia o podniesionej odporności na BaYMV i BaMMV	229 000
10	15	Kompleksowe badania odporności owsa na choroby grzybowe ze szczególnym uwzględnieniem <i>Puccinia coronata</i> f. sp. <i>avenae</i>	287 500
11	16	Analiza genetycznych uwarunkowań związanych z efektem heterozji oraz odpornością na fuzarium u kukurydzy (<i>Zea mays</i> L.)	492 000
12	17	Mechanizmy odporności na abiotyczne i biotyczne stresy środowiskowe u form introgressywnych życicy wielokwiatowej i życicy trwałej z genami kostrzewy łąkowej lub kostrzewy trzcinowej	250 000
13	18	Doskonalenie mapy genetycznej łubinu wąskolistnego i poszukiwanie markerów sprzężonych z cechami użytkowymi ze szczególnym uwzględnieniem zawartości białka i alkaloidów	348 000
14	19	Alkaloidy u łubinu wąskolistnego: zrozumienie molekularnych podstaw procesu biosyntezy i akumulacji w nasionach oraz poszukiwanie form o wysokiej zawartości alkaloidów w zielonych częściach rośliny przy zachowaniu niskiej zawartości w nasionach	210 000
15	20	Analiza molekularna układów allelicznych genów wczesności oraz opracowanie i identyfikacja markerów funkcjonalnych dla genów determinacji pędu, pęknięcia strąków, cech plonotwórczych i jakościowych nasion soi	339 600
16	23	Globalna analiza wariantów strukturalnych w genomach buraka oraz identyfikacja rejonów powiązanych z jednonasiennością i męską sterility	225 000

1	2	3	4
17	24	Opracowanie nowych narzędzi biotechnologicznych pozwalających na skuteczną ocenę odporności buraka cukrowego na pośpiechowość oraz wybór form rodzicielskich do hodowli heterozyjnej tego gatunku	198 400
18	25	Odporność roślin rzepaku na choroby powodowane przez grzyby i pierwotniaki	300 000
19	26	Badania nad zwiększeniem zdolności do plonowania odmian rzepaku ozimego (<i>Brassica napus</i> L.) przez wykorzystanie źródeł odporności na stesy biotyczne i abiotyczne oraz poszerzenie zmienności genetycznej	379 000
20	27	Identyfikacja markerów molekularnych sprzężonych z genami warunkującymi odporność na suchą zgniliznę kapustnych (<i>Leptosphaeria</i> spp.) z wykorzystaniem zaawansowanych technik molekularnych	318 800
21	29	Poszukiwanie specyficznych reakcji warunkujących tolerancję genotypów ziemniaka na wysoką temperaturę i suszę	355 000
22	30	Badanie zróżnicowania interakcji ziemniak – <i>Phytophthora infestans</i> podczas reakcji odpornościowej bulw genotypów ziemniaka posiadających wybrane geny R	191 200
23	35	Analiza czynników wpływających na gametyczną embriogenezę u gatunków opornych na haploidyzację	468 000
24	36	Wykorzystanie somatycznej hybrydyzacji do poszerzenia zakresu zmienności wybranych roślin warzywnych	228 200
25	39	Poznanie molekularnych podstaw mechanizmów odpowiedzi fasoli na wybrane stesy biotyczne i abiotyczne	249 200
26	41	Badania nad genetycznym uwarunkowaniem wybranych cech użytkowych truskawki (powtarzanie owocowania, wielkość i jakość plonu, zdrowotność roślin) w oparciu o analizę biometryczną i molekularną	230 000
27	42	Ocena potencjału genetycznego maliny właściwej (<i>Rubus idaeus</i> L.) pod względem ważnych cech fenotypowych (zdolność do dwukrotnego owocowania, pozbiorca trwałość owoców, bezkolcowość, samopłodność) przy zastosowaniu metod konwencjonalnych i biotechnologicznych	220 000
28	43	Poszukiwanie regionów DNA sprzężonych z ważnymi cechami użytkowymi (bezkolcowość, wielkość owoców, zawartość w owocach ekstraktu i kwasu askorbinowego) u maliny właściwej (<i>Rubus idaeus</i> L.) poprzez analizę transkryptomów	180 000
29	45	Wytwarzanie autotetraploidów borówki czernicy (<i>Vaccinium myrtillus</i>) zdolnych do krzyżowania z borówką wysoką (<i>Vaccinium corymbosum</i>) oraz badanie mechanizmu molekularnego biosyntezy antocyjanów w miąższu owoców	237 600
30	46	Zastosowanie poliploidyacji mitotycznej <i>in vitro</i> w indukowaniu zmienności genetycznej oraz możliwości poprawy wybranych cech użytkowych agrestu (<i>Ribes grossularia</i> L.) i czereśni (<i>Prunus avium</i> L.)	160 000
31	47	Badania nad możliwością wytworzenia nowych genotypów owocowych drzew pestkowych przy wykorzystaniu hybrydyzacji oddalonej w rodzaju <i>Prunus</i>	200 000
32	48	Analiza genetyczna wybranych genotypów brzoskwini (<i>Prunus persica</i> L.) z wykorzystaniem czynnиковego układu krzyżowań i markerów molekularnych	190 000
33	49	Tetraploidalna jabłoń jako źródło odporności na stesy biotyczne i abiotyczne – analiza mechanizmów odporności na zarazę ogniową, parcha jabłoni i suszę oraz ocena zdolności do krzyżowania	240 000
34	50	Analiza fenotypowa i molekularna wybranej populacji segregującej jabłoni dla wytworzenia genotypów o czerwonej barwie miąższu i zwiększonej odporności na zarazę ogniową	226 000

1	2	3	4
35	52	Zastosowanie transplantacji mitochondriów do transferu cytoplazmatycznej męskiej sterility u pszenżyta	210 000
36	53	Edycja genów marchwi i kapusty głowiastej ukierunkowana na cechy związane z biologią kwitnienia i jakością plonu	492 000
37	54	Wykorzystanie metod uczenia maszynowego i fenotypowania spektralnego przy użyciu dronów dla potrzeb detekcji tolerancji na stresy u genotypów pszenicy ozimej w warunkach zmieniającego się klimatu	368 000
38	55	Kompleksowa ocena fenotypowa, chemiczna i molekularna odporności pszenicy ozimej na fuzariozę kłosów i akumulację mykotoksyn	450 000
39	56	Identyfikacja i edycja genów plonotwórczych w pszenżycie przy użyciu CRISPR/Cas9	450 000
40	57	Rye 2.0 – Atlas zróżnicowania genetycznego polskich kolekcji zasobów genowych żyta z uwzględnieniem cech ważnych dla hodowli mieszańcowej	450 000
41	58	Precyzyjna mutageneza i cisgeneza w jęczmieniu zwyczajnym jarym (<i>Hordeum vulgare</i> L.) w celu zwiększenia tolerancji na stres suszy	450 000
42	59	Mikroskopowa i molekularna charakterystyka mechanizmu naturalnej i indukowanej odporności pomidora na zarzę ziemniaka (<i>Phytophthora infestans</i>)	360 000
43	60	Nowe strategie edycji genów pomidora wspierające mechanizację zbioru, poprawę jakości owoców i odporność na wirusy	294 000
44	61	Identyfikacja genów kandydujących odpowiedzialnych za determinację wzrostu soi w warunkach polowych na terenie Rzeczypospolitej Polskiej	360 000
45	62	Badania mechanizmu tolerancji niskiej temperatury, w tym mrozu, u form fakultatywnych (przewódkowych) grochu (<i>Pisum sativum</i> L.)	387 900